Endringer på brysttemplat.

Endringer på templat fra Oncology-Breast-Medical-Evaluation\_v57 *(openEHR-EHR-COMPOSITION.encounter.v1)*

*Templatet heter nå Oncology-Breast-Medical-Evaluation\_v58\_liv (openEHR-EHR-COMPOSITION.encounter.v1)*

## Henvisningsårsak

* Henvisningsårsak - tilfeldig funn v/bildediagnositt enret til Tilfeldig funn.
* Henvisningsårsak - lagt inn tooltip.

## Symptomer/sykdomstegn

* Kartleggingsformål - lagt inn gruppering av kreft listen (her 4 - brystkreft) og kalt den no.onk.kart.symptom
* Lagt inn tooltip tekst - på spm finnes det…?
* Endret tooltip teks på debut
* Ikke gjort, men hvis vi har valget ja/nei i stedet for boolean på alle sykdomstegnene kan de fortsatt vises som rund boks - er det mulig og vi får det samme mønsteret som tidligere. I QA har vi satt at det skal være ja/nei valg her.
* Lagt inn symptom/sykdomstegn v2 arketypen i slotet for ytterligere detaljer i kartleggingsarketypen. Her skal navnet på symptom/sykdomstegn settes hvis svaret i kartleggingsarketypen er haket av, eller svart ja.

## Tidligere kreft

* Endret navnet Kartlegging om tidligere kreft til "Tidligere kreft" per forslag for småtemplat. - ikke gjort for høre om vi kanskje kan endre navn i småtemplat
* Kartleggingsformål - no.onk.kart.tidligere\_kreft og 4 - brystkreft
* Endret navnet problem/diagnosenavn til "Kreftdiagnose" per ny småtemplat.
* Tidsangivelse - endret til "Dato bekreftet" per ny småtemplat.

## Tidligere kreftbehandling

* Kartleggingsformål no.onk.kart.tidligere\_kreftbehandling og 4 brystkreft
* Lagt til tooltip tekst og fjernet teksten i comment i beskrivelsen.

## Bildediagnostikk

* Denne bolken er byttet ut med nytt småtemplat.
* Navnet er endret til Kartlegging bidediagnostikk.
* Kartleggingsformål - no.onk.bildediagnostikk - 4- brystkreft
* Lagt på ukjent på utvalget (vil vi ha med dette?)
* Lagt inn dato (denne var ikke her før, men vil ha den med)
* Mammografi - endret navn på tilleggsprosedyrer til Tomosyntese (DBT) av mamma
* Lagt inn tooltip tekst

## Gentest

* Endret navn til "Kartlegging genetisk biomarkør"
* Kartleggingsformål - no.onk.biomarkorer og 4 brystkreft
* Lagt spørsmål om det er tilbudt noe gentest i overordnet spm. I kartleggingsarketypen
* Beskrivelse endret navn til "Merknad om gentest"
* Lagt inn spørsmål om det er gjort noen gentest i spesifikk undersøkelse spm. per QA
* Lagt til Undersøkelsesnavn - genetisk biomarkører, (skal ikke vises noe sted) - og lagt inn lokal kode på terminologi = no.onk.type\_biomarkorer
* Laboratorieresultat gentest - endret navn til Biomarkør Genetikk. Etter endring av behov hos klinikere så skal dette feltet ikke vises.
* La til prøvemateriale - skal ikke vises i skjermbildet.
* Fjernet alle undersøkelsesresultatene - de vil ikke ha dette i utredningsdokumentet.
* Lagt til Resultat genanalyse (konklusjon i labarketypen) for å legge inn svar ved behov. Ser for meg noe sånt som dette skjermbildet:

Et bilde som inneholder tekst, line, Font, skjermbilde

KI-generert innhold kan være feil.

* Endret alle analyekoder til HGNC, og fjernet DNA foran
* Endret alle svarene til alternativen:   
  -52101004        Påvist (tilstede)  
  -2667000        Ikke påvist (ikke tilstede)

## Lesjon høyre og venstre

### Bildediagnostisk svar

* Byttet til ny lesjon arketype hvor man har tatt bort et felt (ikke felt vi bruker)
* Byttet ut klinisk grunnlag for mål (lengde 1, 2, 3) med fysiske egenskaper. Fysiske egenskaper er i v0, men håper at den blir godkjent snart. Men de feltene vi skal bruke vil ikke bli forandret fra v0 som er på høring, så vi kan evt. bruke physical\_properties.no.v1
* Satt norskt navn på midtpunkt definisjon - høyre brystvorte
* Oppdatert noen av tooltip tekstene og fjernet info som står i Comment under details.
* Markør - bør det i code stå noe enklere enn hele ordet? Det var meningen vi skulle legge inn snomed-ct koder her, men finner ikke noen.   
  kanskje bare tall - eller kanskje tre bokstavforkortelse. Her står du fritt til å gjøre hva du vil. Dette har jeg ikke gjort noe med.
  + - 1 eller SSC - Savi Scout
    - 2 eller-SED - Seed (radioaktivt frø)
    - 3 eller Hyd- Hydromark
    - 4 eller Met -Metall markør
    - 99 -Annen/ny (spesifiser)

### Laboratorieresultat

* Lagt inn anatomisk lokalisering samme som for bilde kvadrant og strukturert anatomisk lokalisering – denne kan arves derfra.   
  Laboratorieresultat, Anatomisk lokaliserting, endret på anatomisk lokalisering (opprinnelsessted) og satt inn høyre bryst og høyre aksilleregion.   
  Lagt inn strukturert anatomisk lokalisering - navn på kroppssted høyre bryst og høyre aksilleregion, samt spesifik sted = kvadrant bendvning.   
  Kroppsside = høyre.  
  For bildediagnostikk ligger dette i bildediagnostikk arketypen og speisfikk anatomisk lokalisering (kvadrant + sirkulær) i anaomaliarketypen.
* Det bør ikke gå en å skrive forskjellig på patologi og bildediagnostikk. Man må kunne også arve lesjonsID også fra bildediagnostikken/anomali, er dette mulig?
* Forkalkning må kanskje omformes litt, det er vanskelig med to svar. Ikke gjort noe her, og det er ikke et felt som ønskes å hentes ut til register enn så lenge.
* Analyseresultat ER og PR – her er det lagt inn to analyseresultat, men det er litt vanskelig for å få ut som biomarkører til uthenting og senere. Det er derfor lagt inn resultat nr 2 i "veiledning for referanseområdet" som er det som skal vises i skjermbildet, mens resultatet er Negativt, Positivt, Inkonklusiv, Ikke utført, og dette må arves fra "veiledning for referanseområdet".
* Endret kode for ER og PR til HGNC koder.
* HER2 (ICH) - endret visningsnavn/tekst på analysenavnene, det er den samme koden. (er i dialog med patolog for å se om dette faktisk er de samme kodene som de som var der)
* Lagt inn analysen HER (ISH) analyse. I og med jeg ikke har en entydig analysekode , men resultatet er direktekodet så har jeg nullet ut analysenavnet. Jeg har i stedet lagt inn en insitu hybridisering prosedyrekode i metode. Og analyseresultat er:  
  -F29605 -HER2 positiv ved ISH-F29604 - HER2 negativ ved ISH
* Et bilde som inneholder tekst, skjermbilde, Font

  KI-generert innhold kan være feil.Lagt til NGS graderinga av tumor som tidligere var i Diagnose delen da klinikere mener den hører til her. Lagt den inn under strukturert diagnose i labresultatet. Skal kun vises sånn som det vises i diagnosen. Den skal legges ved siden av Diagnose/tumormorfologi tenker jeg.

Et bilde som inneholder tekst, skjermbilde, Font, line

KI-generert innhold kan være feil.

* Lagt til designkommentarer og tooltiptekst.

## Problem/diagnose utredning bryst

* TNM klassifiseringen har fått igjen snomed-CT kodene på bokstavene.
* Endret tekst på spesifiser annent under regionale lymfeknuter til "spesifiser annen metode" for å få det likt på fjern og regional metastase. Og rettet spesifiser annet metode til "spesifiser annen metode"
* Oppdatert tooltip tekst.

Alle filer (småtemplatene) ligger også på Teams sammen med adoc for alle småtemplatene.

[2025\_04\_09\_bryst templater etter QA](https://hsorhf.sharepoint.com/:f:/r/sites/OUSHF-X-Strukturertkreftjournal/Shared%20Documents/Bryst/Templatbygging/2025_04_09_bryst%20templater%20etter%20QA?csf=1&web=1&e=pF5poa)

Hvis du importerer adoc filene til GIT så får du en leselig fil, inneholdende innholdet i templatet.